



Databázové technologie

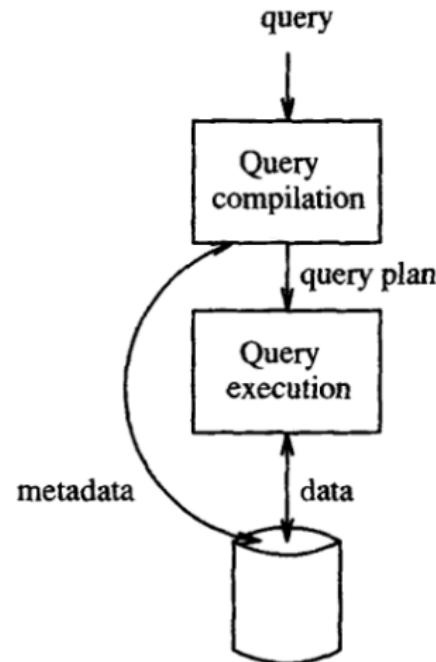
Provádění dotazů

Petr Krajča

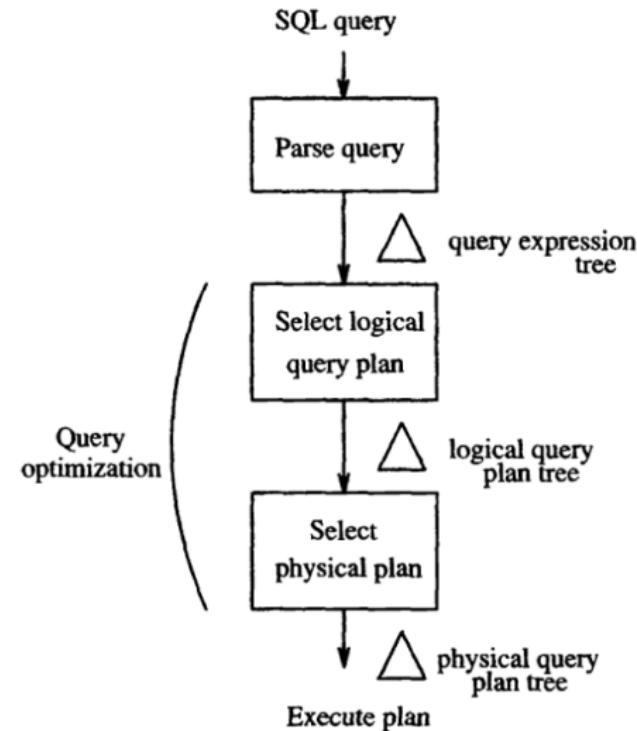


Katedra informatiky
Univerzita Palackého v Olomouci

- query processor – klíčová část SŘBD
- dotazy zpracovávány ve dvou krocích
 - 1 dotaz je přeložen na prováděcí plán
 - 2 data jsou zpracována podle prováděcího plánu



- dotazy překládány v několika krocích
 - 1 parsování – text je převeden na syntaktický strom
 - 2 prvotní sestavení prováděcího plánu – ze syntaktického stromu je vytvořen **logický prováděcí plán** (blízký rel. algebře)
 - 3 vytvoření **fyzického prováděcího plánu** (operace pracující s daty)
- interní reprezentace jako strom operací
- využití algebraických vlastnostní operací
- nutné brát v potaz efektivitu jednotlivých operací (zavisí na datech, jejich velikosti, dostupné paměti, indexech, hodnotách atributu, ...)



Teorie vs. (inženýrská) realita

- praktické relační databázové systémy se odchylují od teoretického modelu
 - umožňují duplicitní řádky
 - přidávají operace, které nemají oporu/smysl v rel. modelu (řazení, eliminace duplicitních řádků)
- alternativní teoretický základ
 - relace je multimnožina (bag) ntic
 - přidány nutné a praktické operace
- reálně se používá množinový i multimnožinový pohled (současně)

Multimnožina

- jednotlivé prvky se v množině mohou vyskytovat vícekrát
- tomu uzpůsobéne operace (počty prvků se sčítají, odčítají, atp.)
- pro $R = \{A, B, B\}, S = \{C, A, B, C\}$
 - $R \cup S = \{A, A, B, B, B, C, C\}$ (součet, liší se od standardní operace \cup na multimnožinách)
 - $R \cap S = \{A, B\}$ (minimum)
 - $R - S = \{B\}$ (rozdíl)
- alternativní pohled na relace $\mathcal{D} : \prod_{y \in R} D_y \rightarrow \mathbb{N}_0$

- většina operací rel. algebry snadno převoditelná i na multimnožiny
- $\sigma, \pi, \bowtie, \times, \cap, \cup, -$
- další operace plynoucí z vlastností SQL

Aggregace a seskupení

- tyto dvě operace z pohledu SQL spolu úzce souvisí
- pro relaci \mathcal{D} na relačním schématu R
- budeme $\gamma_L(\mathcal{D})$ značit operaci seskupení, kde L obsahuje
 - atributy z R (dle kterých dochází k seskupení), nebo
 - dvojice $f_A(y_i) \rightarrow y'_i$, kde $y_i \in R$, $y'_i \in Y$ a f_A je agregační funkce (\min, \max, \sum, \dots)

Eliminace duplicit

- operaci eliminující duplicitní ntic v relaci budeme značit $\delta(\mathcal{D})$
- redundantní, lze nahradit γ

Řazení ntic

- pro řazení ntic se zavádí operace $\tau_L(\mathcal{D})$, kde L je posloupnost atributů z R

table scan

- nejzákladnější operací je přečtení všech dat dané tabulky
- předpokládá se, že data jsou v blocích (rozdeleny podle tabulek)
- data načítána po jednotlivých blocích

index scan

- pokud je k dispozici index, je možné získat řádky splňující danou podmínu
- získat řádky v seřazené podobě vzhledem k danému indexu

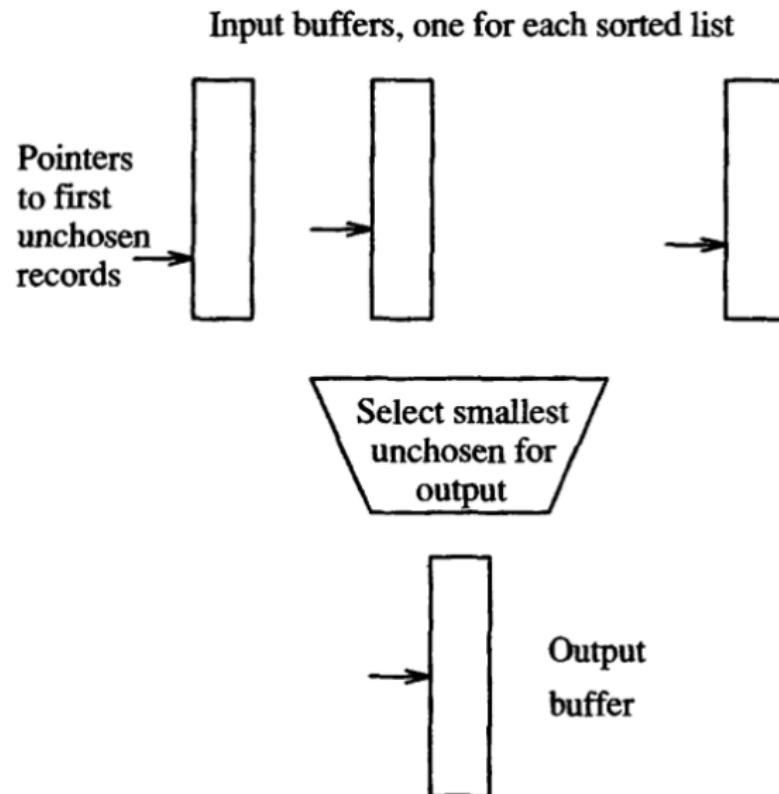
řazení při čtení dat

- bud' součást dotazu (ORDER BY) nebo jako předpoklad jiné operace
- několik možností
 - 1 pro malá data přímo v paměti
 - 2 s využitím indexu
 - 3 vhodný řadící algoritmus (dvoufázový, vícecestný mergesort)

Dvoufázový, vícecestný mergesort



- vhodný v situacích, kdy dostupná paměť je menší než data
- fáze 1: rozdelení dat na menší části a jejich seřazení
 - 1 do dostupné paměti je načtena část bloků tabulky
 - 2 řádky tabulky jsou seřazeny (v paměti)
 - 3 seřazené části jsou uloženy na disk
- fáze 2: sloučení seřazených částí
 - 1 pro každou samostatně seřazenou část se načte do paměti jeden blok
 - 2 je vybrán nejmenší dosud neuvažovaný řádek
 - 3 ten je zapsán na první volné místo výstupního bloku (bufferu)
 - 4 pokud je výstupní buffer zaplněn, je zapsán na disk a v paměti vynulován
 - 5 pokud je blok dané časti zcela zpracován, načte se další (pokud je k dispozici)
 - 6 opakuje se od kroku 2, dokud nejsou zpracovány všechny řádky



- pro hodnocení náročnosti jednotlivých operací je důležité zavést model
- určuje, který fyzický prováděcí plán bude zvolen
- nejnáročnější I/O operace (operace v paměti budeme zanedbávat)
- budeme předpokládat:
 - všechna vstupní data jsou na disku (v praxi nemusí platit)
 - I/O operace pro výstup lze zanedbat (obvykle předány dál)
- základní odhad náročnosti operací lze udělat na základě
 - počtu bloků dané tabulky, budeme značit $B(R)$
 - dostupného počtu bufferů v paměti, které lze použít pro zpracování dotazu, budeme značit M (buffer má stejnou velikost jako blok)
- dále lze využít počet:
 - počet řádek tabulky $T(R)$
 - počet různých hodnot daného atributu v tabulce $V(R, a)$

- table scan, řazení tabulky v paměti: $B(R)$
- index scan: více než $B(R)$ (samostatné vyhledání řádků, může být rychlejší)
- dvoufázový, více cestný mergesort: $3 \cdot B(R)$
 - načtení dat v první fázi: $B(R)$
 - uložení dat v první fázi: $B(R)$
 - postupné načítání dat v druhé fázi: $B(R)$
 - uložení výsledku: zanedbáváme

- operátory typicky realizovány formou iterátorů
- operace:
 - open – inicializace iterátoru
 - getNext – vrátí další řádek, nebo signalizuje konec dat
 - close – ukončí práci s iterátorem (typicky použije operaci close na své argumenty)
- v ideálním případě umožňují proudové zpracování dat
- „data tečou“ z listů ke kořenu (uzly představují operace s daty)
- někdy nutné logiku operátoru z velké části realizovat v operaci open (např. řazení)

Table scan jako iterátor

```
def open(R):
    B := prvni blok R
    T := prvni radek v bloku B
    Found := true

def getNext(R):
    If (T ukazuje za posledni radek v B):
        B := dalsi blok R
        If (dalsi blok neexistuje):
            Found := false
            Return None
        Else: // dalsi blok nacten
            T := prvni radek bloku B
    U := T
    T := posun na dalsi radek v bloku B
    return U

def close(R):
    pass
```

Typy operátorů

- široká paleta operátorů pro práci s daty
- liší se použitým stylem práce s daty
- počtem průchodů

dle typu práce s daty

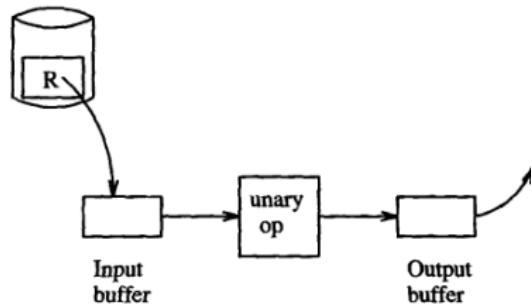
- algoritmy využívající řazení (sorting-based)
- algoritmy využívají hash tabulky (hash-based)
- algoritmy využívají indexy (index-based)

dle počtu průchodů

- jednoprůchodové – vhodné pro operace σ , π nebo pokud se data vejdu do paměti
- dvouprůchodové – data jsou načtena, částečně zpracována a uložena zpět na disk, aby mohla být načtena transformována do finální podoby
- víceprůchodová – obvykle zobecnění dvouprůchodových algoritmů pro větší data

1 unární operace postupně zpracovávající jednotlivé řádky

- restrikce a projekce nevyžadují mít v paměti celou tabulkou (neřeší se duplicity)
- lze načítat jednotlivé bloky a v nich zpracovávat řádky (přímočará implementace)
- vyžadují jeden paměťový buffer
- náročnost operace dána čistě čtením dat



2 unární operace pracující s celou tabulkou

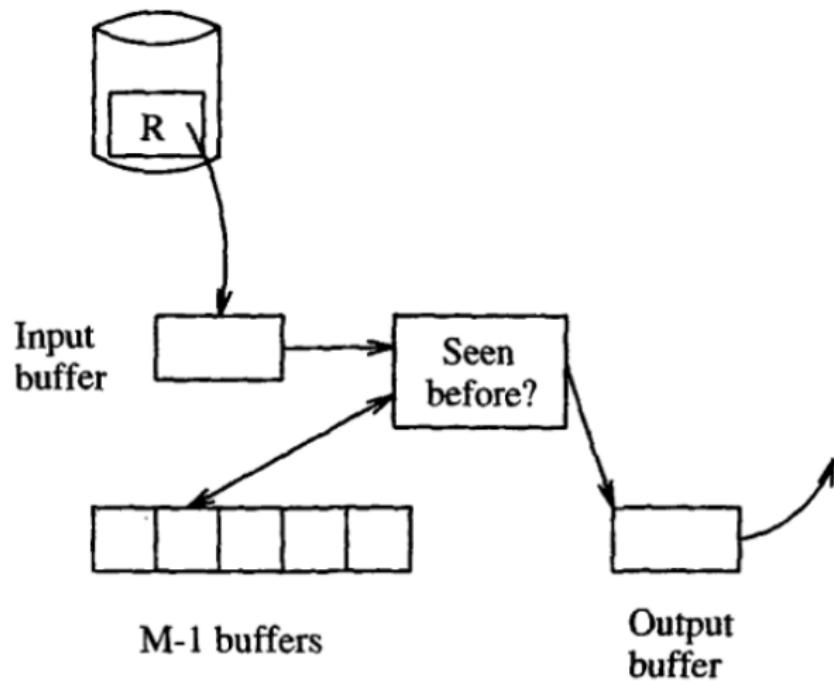
- omezení na tabulky $B(R) \leq M$
- operace seskupení/aggregace, eliminace duplicitních řádků

3 binární operace pracující s celou tabulkou

- zbývající operace (množinové operace, spojení, ...)
- vyžadují, aby velikost alespoň jednoho argumentu byla menší nebo rovna M

- 1 Načte se jeden řádek ze vstupu,
 - 2 pokud se řádek na vstupu vyskytl poprvé zapíšeme jej na výstup a uložíme si tuto informaci,
 - 3 pokračuje se dalším řádkem.
- jeden paměťový buffer potřebujeme pro načtení vstupu, $M - 1$ bufferů můžeme využít pro evidenci zpracovaných řádků
 - vhodná datová struktura? (hash tabulka, vyvážený vyhledávací strom)
 - tyto struktury mají svou režii (můžeme zanedbat)
 - pro velikost by mělo platit $B(\delta(R)) < M$, jinak hrozí thrashing

Eliminace duplicitních řádků



- parametr L operace γ_L udává žádný, jeden nebo více atributů, dle kterých má dojít k seskupení
- pro každou skupinu řádků evidujeme v paměti jeden záznam, tj. hodnoty atributů + průběžné hodnoty jednotlivých agregačních funkcí (např. počet hodnot, minimální/maximální hodnotu, ...)
- nelze zapsat data na výstup, dokud nejsou zpracovány všechny řádky vstupu
- nezapadá do konceptu iterátorů
- není snadné určit velikost dat v paměťovém bufferu

- s výjimkou sjednocení multimnožin je nutné načíst menší operand do paměti
- tj. $\min(B(R), B(S)) \leq M$, I/O operace: $B(R) + B(S)$
- v popisu operací budeme předpokladat, že $B(R) > B(S)$

Sjednocením množin

- do $M - 1$ paměťových bufferů se načte S a vytvoří se vhodná vyhledávací datová struktura (kde klíčem jsou celé řádky)
- obsah S je zapsán na výstup
- do zbývajícího bufferu se postupně načítají jednotlivé bloky R
- pro každý řádek v R se ověří, zda je v S , a pokud ne, je zapsán do výstupního bufferu

Sjednocením multimnožin

- lze spočítat prostým překopírováním operandů na výstup
- postačuje $M = 1$

Průnik množin

- do $M - 1$ paměťových bufferů se načte S a vytvoří se vhodná vyhledávací datová struktura (kde klíčem jsou celé řádky)
- do zbývajícího bufferu se postupně načítají jednotlivé bloky R
- pro každý řádek v R se ověří, zda je v S , a pokud ano, je zapsán do výstupního bufferu

Průnik multimnožin

- do $M - 1$ uložíme unikátní řádky z S a počet jejich vyskytů
- do zbývajícího bufferu se postupně načítají jednotlivé bloky R
- pro každý řádek t z R bud'

 - t není v S , v takovém případě jej ignorujeme,
 - t je v S a má kladný počet výskytů, pak jej zapíšeme do výstupního bufferu a snížíme počet výskytů o jedna,
 - t je v S a má 0 výskytů, a ignorujeme jej.

Rozdíl množin

- nekomutativní operace
- (pro obě varianty) do $M - 1$ paměťových bufferů se načte S a vytvoří se vhodná vyhledávací datová struktura (kde klíčem jsou celé řádky)
- pro $R - S$: pro každý řádek v R se ověří, zda je v S , pokud ne, je uložen do výstupního bufferu, jinak je ignorován
- pro $S - R$: pro každý řádek v R se ověří, zda je v S , pokud ano, je z S odstraněn; po zpracování všech řádků je obsah bufferů s S překopírován do výstupního bufferu.

Rozdíl multimnožin

- (pro obě varianty) do $M - 1$ uložíme unikátní řádky z S a počet jejich vyskytů
- pro $S - R$: pro každý řádek v R v S se sníží počet výskytů o 1, po zpracování všech řádků jsou řádky s kladným počtem výskytů překopírovány právě tolikrát do výstupního bufferu.
- pro $R - S$: pro každý řádek R se ověří, zda je v S , pokud nebo je počet výskytů 0, je zapsán do výstupního bufferu. V opačném případě se počet výskytů sníží o 1.

Kartézský součin

- není potřeba žádná vyhledávací datová struktura
- do $M - 1$ paměťových bufferů se načte S
- pro každý řádek t z R se vytvoří spojení řádků z S s t a zapíše se do výstupního bufferu

Přirozené spojení

- do $M - 1$ paměťových bufferů se načte S , vytvoří se vhodná vyhledávací datová struktura (kde klíčem jsou společné atributy)
- pro každý řádek t z R se vyhledají spojitelné řádky (shodující se v hodnotách společných atributů) a spojení těchto řádků se zapíše do výstupního bufferu

Všechny obrázky:

Hector Garcia-Molina, Jeffrey D. Ullman, Jennifer Widom. Database System Implementation.